

DISTRIBUCIÓN DE GENOTIPOS DE VPH EN PACIENTES CONIZADAS: MÁS ALLÁ DE HPV16 Y 18

Mónica Noelia González Fadrique, Diego María Pich Barroso, María Magdalena Nae Frangulea, Marina Bataller Canet, Carmela Castro Esteban, Marta Sánchez-Eguíbar Mayordomo. *Hospital Universitario Río Hortega*



Antecedentes/Objetivos

- La evidencia científica señala que los genotipos de VPH más frecuentes en pacientes sometidas a conización por HSIL corresponden a los serotipos de alto riesgo, principalmente HPV16, seguido de HPV18, HPV52 y HPV58.
- El objetivo de este estudio es describir la prevalencia de los distintos genotipos de VPH en pacientes sometidos a conización en nuestro medio y comprobar si cumple con lo descrito en la literatura.

Material y Métodos

- Se realizó un estudio descriptivo retrospectivo en el que se incluyeron todas las pacientes conizadas entre el 1/1/2022-31/12/2024 (n=310) en el Hospital Universitario Río Hortega.
- La determinación de HPV se realizó por el servicio de microbiología con un test validado.
- A partir de la historia clínica electrónica se recogió el genotipo de VPH detectado en el último control previo a la conización.

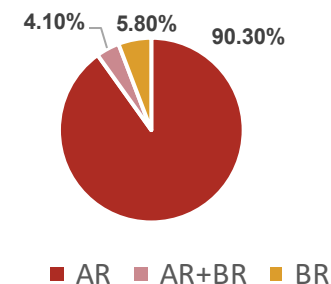
Conclusiones

- La mayoría de las pacientes conizadas presentan infección por VPH de alto riesgo, siendo HPV16 y coinfección por 16-18 los más prevalentes, si bien más de la mitad de los casos se asocian a otros genotipos oncogénicos, siendo los más frecuentes el 31, 33, 35 y 58.
- La frecuencia de coinfección por múltiples genotipos fue comparable a la reportada en la literatura.
- En este estudio comprobamos por tanto la importancia de la recomendación activa de **vacunación con nonavalente** a TODAS las mujeres.

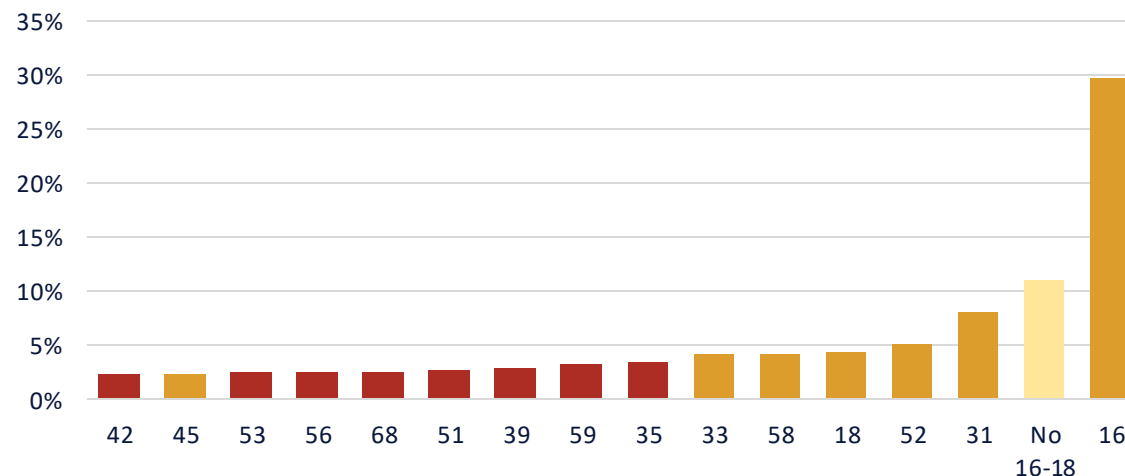
Resultados

- En el 1,2% de los casos el resultado fue indeterminado y en el 1,6% negativo.
- La media de número de genotipos por paciente fue de 1,41, aunque casi el 70% presentó infección por un único serotipo.
- El 50% de las pacientes presentaron un genotipo distinto de HPV16/18.

Distribución de VPH



Distribución de genotipos



En amarillo están los genotipos incluidos en la vacuna nonavalente. En amarillo claro están las pacientes a las que se les detectó VPH de alto riesgo no 16-18.