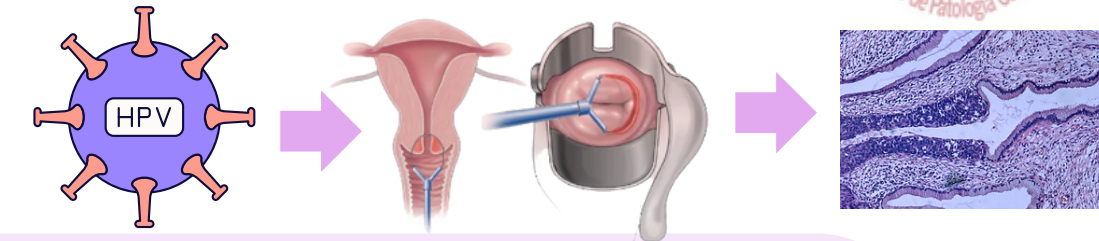


Influencia del genotipo del virus del papiloma humano en el resultado histopatológico de la pieza de conización



- Cristina Viñals Juez, Paula Mazana Casañé, Beatriz Bové Tort, Carla Lecumberri Estruch, Lourdes Guri Arqué, Sergio Martínez Román
- Servicio de Ginecología y Obstetricia - Hospital Universitari Germans Trias i Pujol, Badalona.



INTRODUCCIÓN

La infección por VPH de alto riesgo es el factor clave en el desarrollo de lesiones cervicales y cáncer de cérvix, siendo los genotipos 16 y 18 los de mayor potencial oncogénico.

Objetivo: Evaluar la correlación entre el genotipo del VPH y los hallazgos histopatológicos de la pieza de conización.

MATERIAL Y MÉTODOS

Diseño: Estudio retrospectivo, descriptivo y analítico.

Periodo: Enero 2021 – Junio 2024

Población: 154 mujeres conizadas en el Hospital Germans Trias i Pujol.

Variables: Edad, tabaquismo, estado vacunal, inmunidad, genotipo viral, resultado histológico...

Grupos:

- VPH negativo.
- VPH 16/18.
- Otros VPH de alto riesgo (OAR).

Análisis: χ^2 para comparación entre grupos ($p < 0,05$ significativa).

RESULTADOS

Del total de 154 pacientes, 6 presentaban VPH negativo (3.9%), 72 otros VPH de alto riesgo (46.8%) y 76 VPH 16/18 (49.3%). Se encontraron diferencias estadísticamente significativas entre el análisis histopatológico y el genotipo de VPH ($p = 0,019$).

El grupo VPH 16/18, comparado con el grupo OAR, mostró mayor proporción de CIN 3 (56.9% vs. 41.5%), adenocarcinoma (100% v. 0%) y carcinoma escamoso (66.7% vs. 33.3%), y menor proporción de CIN 1 (37.8% vs. 54.1%) y CIN 2 (42.5% vs. 55%).

En el grupo con VPH negativo, se encontró una distribución más heterogénea.

CONCLUSIÓN

- Los genotipos de VPH 16/18 se asocian a un mayor riesgo de lesiones de alto grado.
- La tipificación genotípica del VPH es esencial para una correcta estratificación de riesgo y seguimiento posquirúrgico.



Genotipo VPH	RESULTADO HISTOPATOLÓGICO PIEZA CONIZACIÓN					
	Negativa	CIN 1	CIN 2	CIN 3	Carcinoma escamoso	Adenocarcinoma
VPH Negativo (n=6)	1 (33.3%)	3 (8.1%)	1 (1.5%)	1 (1.5%)	0 (0%)	0 (0%)
Otros AR (n=72)	2 (66.7%)	20 (54.1%)	22 (55%)	27 (41.5%)	1 (33.3%)	0 (0%)
VPH 16/18 (n=76)	0 (0%)	14 (37.8%)	17 (42.5%)	37 (56.9%)	2 (66.7%)	6 (100%)

Figura 1. Distribución de los genotipos de VPH de alto riesgo en la muestra estudiada.

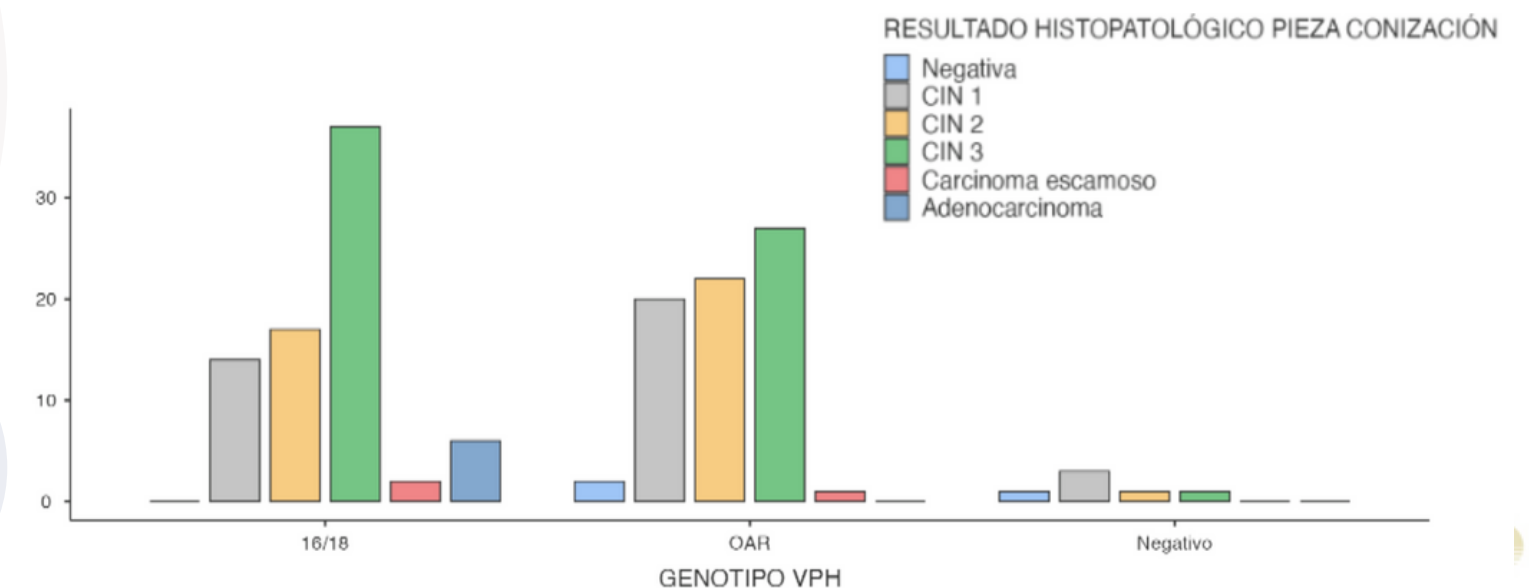


Figura 2. Correlación entre el genotipo de VPH y el resultado histopatológico de la pieza de conización.